

DATE : 30/03/2021

REFERENCE : DGS-URGENT n°2021_32

TITRE : **REPLY : CONDUITE A TENIR VIS-A-VIS D'UN VARIANT A SUIVRE (DERIVE DU CLADE 20C) DETECTE POUR LA PREMIERE FOIS EN BRETAGNE**

Professionnels ciblés

Tous les professionnels

Professionnels ciblés (cf. liste ci-dessous)

- | | | |
|--|---|--|
| <input type="checkbox"/> Chirurgien-dentiste | <input type="checkbox"/> Audioprothésiste | <input type="checkbox"/> Podo-Orthésiste |
| <input type="checkbox"/> Ergothérapeute | <input type="checkbox"/> Autre professionnel de santé | <input type="checkbox"/> Sage-femme |
| <input type="checkbox"/> Manipulateur ERM | <input type="checkbox"/> Orthopédiste-Orthésiste | <input type="checkbox"/> Diététicien |
| <input type="checkbox"/> Médecin-autre spécialiste | <input type="checkbox"/> Pédiacre-Podologue | <input type="checkbox"/> Pharmacien |
| <input type="checkbox"/> Infirmier | <input type="checkbox"/> Opticien-Lunetier | <input type="checkbox"/> Psychomotricien |
| <input type="checkbox"/> Masseur Kinésithérapeute | <input type="checkbox"/> Orthoptiste | <input type="checkbox"/> Orthoprothésiste |
| <input type="checkbox"/> Médecin généraliste | <input type="checkbox"/> Orthophoniste | <input type="checkbox"/> Technicien de laboratoire médical |

Zone géographique

National

Territorial

REPLY AU MESSAGE DGS-URGENT n°2021-32 du 15/03/2021

Mesdames, Messieurs,

Une surveillance renforcée des **cas d'infection à SARS-CoV-2 liés au variant 20C/H655Y (lignage PANGO B.1.616)** a été mise en place suite à l'identification d'un regroupement de cas liés à ce variant **au centre hospitalier de Lannion (Côtes d'Armor, Bretagne)** entre les mois de janvier et mars 2021. Pour rappel, la particularité associée aux cas confirmés d'infections au variant 20C/H655Y est la possibilité de présenter des **symptômes évocateurs de la COVID-19 avec une RT-PCR faiblement positive voire négative** sur les prélèvements naso-pharyngés habituels (le virus est néanmoins bien détectable par RT-PCR mais semble être retrouvé préférentiellement dans les voies aériennes basses). **Les définitions de cas possibles, probables et confirmés et les conduites à tenir (CAT) ont été précisées par messages MINSANTE n°42, MARS n°21 et DGS-Urgent n°32. Ces définitions et CAT restent en vigueur pour les départements où les premiers cas ont été détectés, et où la majorité des cas sont actuellement signalés, à savoir le Finistère et les Côtes d'Armor.**

Des cas confirmés ont été identifiés **dans d'autres régions du territoire national** mais à ce jour, tous sont directement ou indirectement rattachés à Lannion. Toutefois, en l'absence de données concernant une éventuelle transmissibilité accrue de ce virus et/ou une plus grande fréquence des formes sévères, ce variant est à ce stade classé comme **variant à suivre** (« VOI – variant of interest – variant à suivre » selon la dénomination de l'OMS) et il est nécessaire de mettre en place une **surveillance nationale des infections par le SARS-COV-2 liées au variant 20C/H655Y pour connaître les caractéristiques des cas et suivre la diffusion du variant sur le territoire** en dehors de la zone de surveillance renforcée où sont apparus les premiers cas.

A cet effet Santé publique France a élaboré un **protocole de signalement et d'investigation des cas évocateurs d'infection à SARS-CoV-2 liée au variant 20C/H655Y en dehors du Finistère et des Cotes d'Armor¹**, que vous trouverez joint à ce message (ce protocole national est complémentaire au protocole local élaboré pour investiguer spécifiquement les cas identifiés dans la zone de surveillance renforcée au sein de ces départements et rattachés à la zone de Lannion).

¹ <https://www.santepubliquefrance.fr/media/files/01-maladies-et-traumatismes/maladies-et-infections-respiratoires/infection-a-coronavirus/procotole-variant-20c-30-03-21>

1/ Détection et signalement des cas évocateurs d'infection par le variant 20C/H655Y en dehors du Finistère et des Cotes d'Armor

Les professionnels de santé doivent signaler au point focal de l'ARS tous les cas évocateurs d'infection par le variant 20C/H655Y, définis par les cas répondant à un critère clinique ET biologique ET épidémiologique (les 3 critères doivent être présents) :

Critère clinique

- Toute personne présentant des symptômes d'infection respiratoire aiguë avec des signes visibles en tomo-densitométrie thoracique évocateurs de COVID-19

OU

- Toute personne présentant une anosmie et/ou une agueusie d'apparition brutale, sans rhinite associée

Critère biologique

RT-PCR négative sur des prélèvements naso-pharyngés (quels que soient les résultats d'une RT-PCR sur prélèvements profonds), en l'absence de diagnostic alternatif plus probable

Critère épidémiologique :

- Un lien épidémiologique avec la zone géographique concernée par l'émergence du variant 20C/H655Y (lien direct - séjour dans la zone, ou lien indirect - ex : contact à risque hors de la zone avec une personne résidant habituellement ou qui a séjourné récemment dans la zone) qui inclut une partie des départements de Côtes-d'Armor et du Finistère (communautés d'agglomération de Lannion, Morlaix, Guingamp, Saint Brieuc)

OU

- Un contact à risque avec un cas probable ou confirmé d'infection par le variant 20C/H655Y (Un contact à risque est défini dans la définition de cas d'infection au SARS-CoV-2 (COVID-19) disponible sur le [site](#) de Santé publique France).

Ce signalement se fera par le biais du **questionnaire de signalement des cas évocateurs d'infection au variant 20C/H655Y²** joint au guide de SpF.

NB : Ce signalement direct par les professionnels de santé aux ARS des cas évocateurs d'infection au variant 20C/H655Y complète le circuit de signalement dans Contact-Covid décrit dans les messages MINSANTE n°2021-42, MARS n°2021-21 et DGS-Urgent n°2021-32 mais ne s'y substitue pas. La saisie des cas dans Contact COVID étant nécessaire à la réalisation sans délai du contact tracing autour de ces cas.

2/ Investigation des cas évocateurs d'infection par le variant 20C/H655Y en dehors du Finistère et des Cotes d'Armor

Une investigation devra être réalisée par les équipes régionales (ARS et Cellules régionales SpF) pour tous les cas signalés par les professionnels de santé et répondant aux critères de signalement, par le biais d'un **questionnaire d'investigation qui nécessitera de recontacter le patient et/ou le professionnel de santé déclarant³** (joint au guide SpF).

Pour tous les cas évocateurs d'infection par le variant 20C/H655Y, **les prélèvements devront être envoyés à l'une des 4 plateformes selon la cartographie EMER-GEN pour la réalisation du séquençage du génome entier**. Les prélèvements devront être adressés aux plateformes en mentionnant spécifiquement « Suspicion 20C/H655Y » sur l'étiquette et la fiche accompagnant le prélèvement, pour assurer leur identification et la priorisation de leur traitement.

Pour les cas évocateurs qui n'auraient que des résultats de RT-PCR négatifs sur prélèvements rhinopharyngés, il est demandé de faire d'autres types de prélèvements, notamment profonds (cf. MINSANTE n°2021-42, annexes 2 et 3 : stratégie diagnostique concernant un nouveau variant du clade 20C détecté en Bretagne).

Les cas seront classés à l'issue des résultats biologiques en tant que :

- Cas probable du variant 20C/H655Y :

Résultats de séquençage partiel montrant une infection par un variant du clade 20C, sans que le résultat ne permette de conclure à une infection spécifiquement par le variant 20C/H655Y

² <https://www.santepubliquefrance.fr/media/files/01-maladies-et-traumatismes/maladies-et-infections-respiratoires/infection-a-coronavirus/questionnaire-signalement-variant20c-30-03-21>

³ <https://www.santepubliquefrance.fr/media/files/01-maladies-et-traumatismes/maladies-et-infections-respiratoires/infection-a-coronavirus/questionnaire-investigation-variant20c-30-03-21>

OU

Résultat par séquençage SANGER montrant l'infection par un variant du clade 20C ET au minimum les 4 mutations retrouvées chez le variant 20C/H655Y suivantes : H66D, del144, V483A et H655Y

OU

Absence de séquençage ou de résultat de séquençage concluant sous réserve d'un lien de transmission établi avec un cas confirmé de variant 20C/H655Y

- **Cas confirmé du variant 20C/H655Y** : séquençage complet du génome confirmant l'infection par le variant 20C/H655Y

Les données recueillies pour chaque cas probable ou confirmé seront à terme saisies par les cellules régionales de SpF, en lien avec les ARS, dans une application Voozadoo qui est spécifiquement en cours de développement pour cette investigation.

NB : La surveillance nationale sera adaptée en tenant compte de l'évolution de la situation et des connaissances sur le variant. Au stade actuel caractérisé par l'émergence et la diffusion du variant 20C/H655Y dans un périmètre géographique limité, il est justifié de réaliser une **investigation approfondie de chaque cas lié au variant 20C/H655Y**.

Nous vous remercions de votre mobilisation.

MESSAGE INITIAL DGS-URGENT n°2021-32 du 15/03/2021

Mesdames, Messieurs,

Un cluster nosocomial d'infections à SARS-CoV2 est suivi depuis plusieurs semaines par l'ARS Bretagne avec des cas également détectés en milieu communautaire. Suite à la détection de plusieurs cas rattachés à ce cluster avec une discordance répétée entre les signes cliniques évocateurs de la COVID-19 et les résultats négatifs de RT-PCR réalisés sur prélèvement nasopharyngé, des investigations épidémiologiques et virologiques ont été menées par Santé publique France et le CNR Virus des infections respiratoires.

L'analyse moléculaire réalisée par le CNR de Pasteur met en évidence **un nouveau variant (dérivé du clade 20C)** porteur de neuf mutations dans la région codant pour la protéine S mais également dans d'autres régions virales. Une évaluation est en cours afin d'apprécier l'impact possible de ces modifications génétiques sur un défaut de reconnaissance par les tests virologiques conduisant à un sous-diagnostic et susceptible d'interférer avec la stratégie de dépistage et de contact-tracing actuellement en vigueur. Des investigations complémentaires sont également en cours afin d'évaluer l'impact de ces mutations sur la transmissibilité, la sévérité et le risque éventuel d'échappement immunitaire de ce nouveau variant.

A ce stade, et en l'absence de données à ce jour concernant une éventuelle transmissibilité accrue de ce virus par rapport aux souches de 2020 et une éventuelle plus grande fréquence des formes sévères, **l'analyse de risque réalisée par Santé Publique France et le Centre National de Référence Virus respiratoires classe cette souche comme « variant under investigation »** (variant à suivre).

Dans ce contexte, une définition particulière des cas, adaptée à la situation et relative à une zone géographique incluant une partie des **départements de Côtes-d'Armor (22) et du Finistère (29) en Bretagne**, a été élaborée par Santé publique France⁴ (cf. annexe 1).

Compte-tenu de la **possible mise en défaut du diagnostic biologique** sur les prélèvements naso-pharyngés, une conduite à tenir spécifique doit être mise en œuvre.

a) Conduite à tenir diagnostique :

⁴ <https://www.santepubliquefrance.fr/media/files/01-maladies-et-traumatismes/maladies-et-infections-respiratoires/infection-a-coronavirus/definition-de-cas-d-infection-au-sars-cov-2-covid-19-et-conduite-a-tenir-concernant-un-nouveau-variant-detecte-en-bretagne-variant-du-clade-20c>

Vous trouverez ci-joint deux fiches techniques (annexes 2 et 3), précisant les examens à visée diagnostique à réaliser devant un cas possible ou probable répondant à la définition de cas, ainsi que les circuits des prélèvements à adresser au CNR Virus des infections respiratoires.

b) Conduite à tenir autour des cas possibles, probables et confirmés :

Tous les cas répondant à la définition de cas **possibles, probables** ou **confirmés** doivent faire l'objet d'un **isolement strict d'une durée de 10 jours à compter de la date de début des signes pour les patients symptomatiques ou à compter de la date de prélèvement pour les cas asymptomatiques**. Pour les personnes contacts, les recommandations en termes de tests (immédiat et à J7) et la durée de quarantaine ne sont pas modifiées (la durée reste de 7 jours à compter de la dernière exposition à risque).

Le contact tracing sera initié dès la détection d'un cas possible selon les modalités habituelles. **Pour les cas probables et les cas confirmés, seront également réalisés une information des contacts de seconde génération par les contacts de première génération (contact-warning)** ainsi qu'une investigation en amont et en aval des cas à la recherche de situations à risque de transmission pour la recherche de personnes co-exposées (rétro-tracing par le niveau 3, ARS/SpF).

c) Renseignement de l'outil contact-covid :

Dans le contexte imposé par ce nouveau variant dérivé du clade 20C, **une attention toute particulière doit être portée sur la déclaration des cas dans « Contact-COVID »**.

A ce titre, dans l'attente d'une évolution de l'outil, les professionnels de ville et des établissements de santé devront appliquer la consigne suivante : les cas possibles seront créés dans Contact Covid en utilisant le champ diagnostic « Probable (symptômes + scanner) » et en indiquant manuellement dans le champ « nature de variant » l'information (strictement saisie à l'identique) « **Cas possible 20C** » ce qui permettra de les identifier comme cas possibles, y compris dans les extractions utilisées par Santé Publique France.

Les cas probables pourront être enregistrés en utilisant le champ « diagnostic » ci-dessus « Probable (symptômes + scanner) » et en indiquant dans le champ « nature de variant » l'information « **Cas probable 20C clinique** » (c'est-à-dire présentant des lésions visibles en tomo-densitométrie thoracique évocatrice de COVID-19) ou « **Cas probable 20C épidémiologique** » (c'est-à-dire disposant d'un contact à risque avec un autre cas possible, probable ou confirmé d'infection par ce variant du clade 20C, OU appartenant à un regroupement de ces cas possibles, probables ou confirmés).

Concernant les cas confirmés, la question se pose de pouvoir tracer à postériori la présence du variant dérivé du clade 20C, à l'issue du séquençage. Cette information pourra être indiquée dans le champ « diagnostic » en modifiant « Probable (symptômes + scanner) » par « **Résultat RT-PCR confirmé positif** » et en indiquant une nature de variant « **Variant 20C confirmé par séquençage** ».

Nous vous remercions sincèrement pour votre engagement et votre vigilance dans l'application des consignes citées plus haut. La participation de tous sera essentielle pour assurer la bonne compréhension de la situation.

Pr. Jérôme Salomon
Directeur Général de la Santé

Signé

**Protocole national d'investigation des infections à SARS-COV-2 liées au
variant 20C/H655Y survenant hors zone de surveillance renforcée dans le
Finistère et les Côtes d'Armor¹
30/03/2021**

Santé publique France

Direction des maladies infectieuses

Direction des régions

1. Contexte

Une surveillance renforcée des cas d'infection à SARS-CoV-2 liés au variant 20C/H655Y (numéro de lignage PANGO B.1.616) a été mise en place suite à l'identification d'un regroupement de cas liés à ce variant au centre hospitalier de Lannion (Côtes d'Armor) entre les mois de janvier et mars 2021. Des cas ont été identifiés dans d'autres régions mais à ce jour (23/03/21), tous sont directement ou indirectement rattachés au CH de Lannion.

La surveillance renforcée concerne une zone géographique comprenant Lannion, Guingamp, Saint-Brieuc et Morlaix. Elle inclut un renforcement des tests diagnostiques et une CAT spécifique pour les cas possibles/probables/confirmés liés à ce variant. La Direction Générale de la Santé a également prévenu l'ensemble des établissements de santé et des professionnels de santé en dehors de cette zone afin de les sensibiliser à la surveillance de ce variant (MINSANTE n°2021-42 du 15/03/2021).

La particularité associée aux premiers cas confirmés d'infections au variant 20C/H655Y est la possibilité de présenter des symptômes évocateurs de la COVID-19 avec une RT-PCR faiblement positive voire négative sur les prélèvements naso-pharyngés habituels. Le virus est néanmoins détectable par les techniques de RT-PCR habituelles mais semble être retrouvé de manière préférentielle dans les voies aériennes inférieures. À ce jour, il n'est pas démontré que ce variant serait plus transmissible ni n'entraînerait de formes plus sévères.

En l'absence de données à ce jour concernant une éventuelle transmissibilité accrue de ce virus par rapport aux souches de 2020 et une éventuelle plus grande fréquence des formes sévères, ce variant est à ce stade classé comme variant à suivre (VOI selon la dénomination de l'OMS). Il est nécessaire de mettre en place une surveillance nationale des infections par le SARS-COV-2 liées au variant 20C/H655Y pour connaître les caractéristiques des cas et suivre sa diffusion sur le territoire.

2. Objectif

La surveillance nationale (hors zone de surveillance renforcée) des infections à SARS-CoV-2 liées au variant 20C/H655Y vise à :

- Décrire les cas probables et confirmés liés au variant 20C/H655Y
- Suivre l'expansion géographique de ce variant en dehors du Finistère et des Côtes d'Armor pour adapter les mesures de gestion

¹ Zone de surveillance renforcée au 26/03 : CA Lannion Trégor Communauté, CA Morlaix Communauté, CA Guingamp-Paimpol Agglomération de l'Armor à l'Argoat, CC Leff Armor Communauté, CA Saint-Brieuc Armor Agglomération

Ce protocole d'investigation vise à structurer les investigations des cas qui seraient rapportés en dehors de la zone de surveillance renforcée. Ce protocole national est complémentaire d'un protocole régional d'investigation visant à décrire spécifiquement les regroupements de cas et les chaînes de transmission liés au centre hospitalier de Lannion dans ces deux départements.

3. Signalement des cas évocateurs d'infection par le variant 20C/H655Y par les professionnels de santé

Les professionnels de santé devront signaler au point focal de l'ARS tous les cas évocateurs d'infection par le variant 20C/H655Y, définis par les cas répondant à un critère clinique ET biologique ET épidémiologique.

Critère clinique

- Toute personne présentant des symptômes d'infection respiratoire aiguë avec des signes visibles en tomo-densitométrie thoracique évocateurs de COVID-19

OU

- Toute personne présentant une anosmie et/ou une agueusie d'apparition brutale, sans rhinite associée

Critère biologique

RT-PCR négative sur des prélèvements naso-pharyngés (quels que soient les résultats d'une RT-PCR sur prélèvements profonds), en l'absence de diagnostic alternatif plus probable

Critère épidémiologique :

- un lien épidémiologique² avec la zone géographique concernée par l'émergence du variant 20C/H655Y qui inclut une partie des départements de Côtes d'Armor et du Finistère (Communautés d'agglomération de Lannion, Morlaix, Guingamp, Saint Briec, cf. Annexe 1)

OU

- un contact à risque³ avec un cas probable ou confirmé d'infection par le variant 20C/H655Y

Ce signalement se fera par le biais du questionnaire de signalement des cas évocateurs d'infection au variant 20C/H655Y (Annexe 2 : questionnaire de signalement).

Le signalement de ces cas aux ARS ne se substitue pas à la saisie habituelle des cas probables dans Contact Covid, cette dernière étant nécessaire à la réalisation sans délai du contact tracing autour de ces cas.

4. Investigation des cas

Une investigation sera réalisée par les équipes régionales (ARS et Cellules régionales SpF) pour tous les cas signalés par les professionnels de santé, par le biais d'un questionnaire d'investigation (Annexe 3) qui nécessitera de recontacter le patient et/ou le professionnel de santé déclarant.

² Lien épidémiologique direct (séjour dans la zone) ou indirect (ex : contact à risque hors de la zone avec une personne résidant habituellement ou qui a séjourné récemment dans la zone)

³ Un contact à risque est défini dans la définition de cas d'infection au SARS-CoV-2 (COVID-19) disponible sur le [site](#) de Santé publique France

5. Analyses biologiques

Pour tous les cas évocateurs d'infection par le variant 20C/H655Y, les prélèvements qui reviendraient positifs en RT-PCR seront envoyés à l'une des quatre plateformes selon la cartographie EMER-GEN pour la réalisation du séquençage. Le séquençage du génome entier doit être réalisé en priorité plutôt que du séquençage SANGER. Les prélèvements devront être adressés aux plateformes en mentionnant spécifiquement « Suspicion 20C/H655Y » sur l'étiquette et la fiche accompagnant le prélèvement.

Pour les cas évocateurs qui n'auraient que des résultats de RT-PCR négatifs sur prélèvements rhinopharyngés, il est demandé de faire d'autres types de prélèvements, en particulier des prélèvements profonds lorsque cela est possible (cf. MINSANTE n°2021-42, annexe 2 et 3 : stratégie diagnostique concernant un nouveau variant du clade 20C détecté en Bretagne). Les équipes d'investigation en région (ARS et CR) seront en charge du suivi des résultats de confirmation biologique, ainsi que des résultats de séquençage en lien avec le CNR et plateformes de séquençage.

6. Classification des cas

Les cas seront classés à l'issue des résultats biologiques en tant que :

- Cas probable du variant 20C/H655Y :

Résultats de séquençage partiel montrant une infection par un variant du clade 20C, sans que le résultat ne permette de conclure à une infection spécifiquement par le variant 20C/H655Y

OU

Résultat par séquençage SANGER montrant l'infection par un variant du clade 20C ET au minimum les 4 mutations retrouvées chez le variant 20C/H655Y suivantes : H66D, del144, V483A et H655Y

OU

Absence de séquençage ou de résultat de séquençage concluant sous réserve d'un lien de transmission établi avec un cas confirmé de variant 20C/H655Y

- **Cas confirmé du variant 20C/H655Y** : séquençage complet du génome confirmant l'infection par le variant 20C/H655Y

7. Saisie des données

Les données recueillies pour chaque cas probable ou confirmé seront saisies par les cellules régionales de SpF, en lien avec les ARS, dans une application Voozadoo qui est spécifiquement en cours de développement pour cette investigation.

8. Durée de conservation des données

Les données collectées dans le cadre de la surveillance et des investigations des cas d'infection par le variant 20C/H655Y seront conservées par Santé publique France pendant une durée n'excédant pas un an. Pour en savoir plus sur ce traitement et l'exercice des droits des personnes : dpo@santepubliquefrance.fr ou Santé publique France, délégué à la protection des données, 12 rue du Val d'osne, 94415 Saint Maurice Cedex.

9. Evolution de la surveillance

La surveillance devra être adaptée et redimensionnée en tenant compte de l'évolution de la situation. Au stade actuel caractérisé par l'émergence et la diffusion du variant 20C/H655Y dans un périmètre géographique limité, il est justifié de réaliser une investigation approfondie de chaque cas probable et confirmé liés au variant 20C/H655Y en dehors de cette zone géographique. En revanche, ces investigations ne pourront plus être conduites en cas de diffusion importante du variant 20C/H655Y en population générale dans d'autres zones géographiques.

Annexe 1 - Zone géographique concernée par l'émergence du variant 20C/H655Y

France par intercommunalité



Annexe 2. Fiche de signalement pour les professionnels de santé

Cas évocateur d'infection au variant 20C/H655Y à signaler par les professionnels de santé à l'Agence Régionale de Santé

Date du signalement ___/___/_____

Nom de la personne effectuant le signalement :

Organisme :

Dépt. : |__|_| | Téléphone : Email :

1 - Identité du patient

Nom : Prénom :

Sexe M F Date de naissance : ___/___/_____ ou âge : |__|_| (années) ou |__|_| (mois)

Commune de résidence : Code Postal : /_____/

Tel domicile : Tel portable :

Patient Personnel de santé, *préciser* : établissement : service :

2 - Critères épidémiologiques

Séjour dans la zone géographique concernée par l'émergence du variant 20C/H655Y (zone géographique comprenant les Communautés d'agglomération de Lannion, Guingamp, Saint-Brieuc et Morlaix)

Préciser commune :

Date du séjour : ___/___/_____ au ___/___/_____

ET/OU

Lien épidémiologique avec la zone (ex : contact à risque hors de la zone avec une personne résidant habituellement ou qui a séjourné récemment dans la zone géographique)

Préciser :

ET/OU

Contact à risque avec un cas confirmé ou probable d'infection par le variant 20C/H655Y

Préciser nom du cas et circonstances :

ET

3 - Critères cliniques et radiologiques

Anosmie brutale (sans rhinite associée) Agueusie brutale Date de début : ___/___/_____

Symptômes d'infection respiratoire aiguë ET scanner thoracique avec signes évocateurs de COVID-19

ET

4- Critères biologiques

Test virologique par prélèvement naso-pharyngé **négatif** en l'absence de diagnostic alternatif

Date : ___/___/_____

Si les critères précédents sont remplis, il est recommandé de proposer, lorsque c'est possible, la réalisation d'une RT-PCR sur un prélèvement profond (expectoration/crachat induit, aspiration trachéale, LBA)

OU

Test virologique par prélèvement naso-pharyngé **négatif** mais test sur prélèvement profond (expectoration/crachat induit, aspiration trachéale, LBA) **positif**

Merci d'adresser ce questionnaire au point focal de l'Agence Régionale de Santé de résidence du patient

Annexe 3 : Questionnaire d'investigation

Questionnaire d'investigation des cas évocateurs d'infection au variant 20C/H655Y

Date du signalement ___/___/_____

Nom de la personne effectuant le signalement :

Organisme :

Dépt. : |__|_| | Téléphone : Email :

1 - Identité du patient

Nom : Prénom :

Sexe M F Date de naissance : ___/___/_____ ou âge : |__|_| (années) ou |__|_| (mois)

Commune de résidence : Code Postal : /_____/

Tel domicile : Tel portable :

Patient Personnel de santé, *préciser* : établissement : service :

2 - Informations épidémiologiques

Séjour dans la zone géographique concernée par l'émergence du variant 20C/H655Y

Préciser commune :

Date du séjour : ___/___/_____ au ___/___/_____

Lien avec un épisode de cas groupés incluant au-moins un cas confirmé 20C/H655Y

Préciser:

.....

Contact à risque avec un cas confirmé d'infection par le variant 20C/H655Y

Préciser nom du cas et circonstances :

.....

.....

3 - Caractéristiques cliniques

Signes cliniques Oui Non

Date de début des signes cliniques : ___/___/_____

Fièvre, *précisez* :°C

Sensation de fièvre

Asthénie / fatigue / malaise

Toux

Myalgies / courbatures

Dyspnée

Céphalées

SDRA

Auscultation pulmonaire anormale

Diarrhée

Anosmie

Agueusie

Autre signe clinique, *préciser* :

Hospitalisation Oui Non du au Hôpital Service

du au Hôpital Service

Examens radiologiques

Scanner thoracique réalisé Oui Non Date du scanner : ___/___/_____
Présence de signes scannographiques évocateurs de COVID-19 Oui Non

4 - Evolution clinique

Décès Oui Non Date du décès : ___/___/_____

5 - Facteurs de risque COVID-19

Facteurs de risque d'infection sévère à SARS-CoV-2 Oui Non Si oui, *préciser* :
 Hypertension Antécédents cardiovasculaires
 Diabète Pathologie chronique respiratoire
 Insuffisance rénale Cancer évolutif sous traitement
 Obésité Autre, *préciser* :

6 - Antécédents COVID-19

Cas déclarant un précédent épisode d'infection à SARS-CoV-2 Oui Non
Si oui, *préciser* :
Date de début des signes ou de confirmation biologique pour le précédent épisode : ___/___/_____
Infection confirmée par RT-PCR Oui Non

7- Antécédents de vaccination

Vaccination contre le SARS-CoV-2 Oui Non
Date dose 1: ___/___/_____
Date dose 2 : ___/___/_____
Vaccin : Pfizer/BioNTech Moderna AstraZeneca

8- Diagnostic

Préciser tous les prélèvements réalisés, les dates de prélèvements et les résultats

Prélèvements nasopharyngés

PCR 1	Date : ___/___/_____ 	<input type="checkbox"/> Positif	<input type="checkbox"/> Négatif
PCR 2	Date : ___/___/_____ 	<input type="checkbox"/> Positif	<input type="checkbox"/> Négatif
PCR 3	Date : ___/___/_____ 	<input type="checkbox"/> Positif	<input type="checkbox"/> Négatif
PCR 4	Date : ___/___/_____ 	<input type="checkbox"/> Positif	<input type="checkbox"/> Négatif

RT-PCR de criblage : Oui Non

Résultats de la RT-PCR de criblage : 20I/501Y.V1 20H/501Y.V2 ou 20J/501Y.V3 Négatif

Prélèvements profonds (expectoration/crachat induit, aspiration trachéale, LBA)

PCR 1	Date : ___/___/_____ 	<input type="checkbox"/> Positif	<input type="checkbox"/> Négatif	Type de prélèvements : _____
PCR 2	Date : ___/___/_____ 	<input type="checkbox"/> Positif	<input type="checkbox"/> Négatif	Type de prélèvements : _____
PCR 3	Date : ___/___/_____ 	<input type="checkbox"/> Positif	<input type="checkbox"/> Négatif	Type de prélèvements : _____

Prélèvements salivaires

PCR 1 Date : ___/___/___ Positif Négatif
PCR 2 Date : ___/___/___ Positif Négatif
PCR 3 Date : ___/___/___ Positif Négatif

Prélèvements de selles ou écouvillon rectal

PCR 1 Date : ___/___/___ Positif Négatif
PCR 2 Date : ___/___/___ Positif Négatif
PCR 3 Date : ___/___/___ Positif Négatif

Sérologies

Date : ___/___/___ Résultat : IgM : _____ IgG : _____
Date : ___/___/___ Résultat : IgM : _____ IgG : _____
Date : ___/___/___ Résultat : IgM : _____ IgG : _____

Test(s) sérologique(s) utilisés et interprétation des résultats sérologiques par le laboratoire :

Prélèvements envoyés au CNR : Oui Non

Si oui, préciser lesquels

Prélèvements nasopharyngés Date du prélèvement : ___/___/___
 Prélèvements profonds Date du prélèvement : ___/___/___
 Prélèvements salivaires Date du prélèvement : ___/___/___
 Prélèvements de selles Date du prélèvement : ___/___/___
 Prélèvements sanguins Date du prélèvement : ___/___/___

Résultat du CNR

Variant 20C/H655Y
 Clade 20C / Mutations spécifiques 20C/H655Y
 Clade 20C / Variant non déterminé
 Clade 20A
 Variant 20I/501Y.V1
 Variant 20H/501Y.V2
 Variant 20J/501Y.V3
 Autre variant, préciser :

Cas évocateur d'infection au variant 20C/H655Y à signaler par les professionnels de santé à l'Agence Régionale de Santé

Date du signalement ___/___/_____

Nom de la personne effectuant le signalement :

Organisme :

Dépt. : |__| |__| Téléphone : Email :

1 - Identité du patient

Nom : Prénom :

Sexe M F Date de naissance : ___/___/_____ ou âge : |__| |__| (années) ou |__| |__| (mois)

Commune de résidence : Code Postal : /_____/

Tel domicile : Tel portable :

Patient Personnel de santé, *préciser* : établissement : service :

2 - Critères épidémiologiques

Séjour dans la zone géographique concernée par l'émergence du variant 20C/H655Y (zone géographique comprenant les Communautés d'agglomération de Lannion, Guingamp, Saint-Brieuc et Morlaix)

Préciser commune :

Date du séjour : ___/___/_____ au ___/___/_____

ET/OU

Lien épidémiologique avec la zone (ex : contact à risque hors de la zone avec une personne résidant habituellement ou qui a séjourné récemment dans la zone géographique)

Préciser :

ET/OU

Contact à risque avec un cas confirmé ou probable d'infection par le variant 20C/H655Y

Préciser nom du cas et circonstances :

ET

3 - Critères cliniques et radiologiques

Anosmie brutale (sans rhinite associée) Agueusie brutale Date de début : ___/___/_____

Symptômes d'infection respiratoire aiguë ET scanner thoracique avec signes évocateurs de COVID-19

ET

4- Critères biologiques

Test virologique par prélèvement naso-pharyngé **négatif** en l'absence de diagnostic alternatif

Date : ___/___/_____

Si les critères précédents sont remplis, il est recommandé de proposer, lorsque c'est possible, la réalisation d'une RT-PCR sur un prélèvement profond (expectoration/crachat induit, aspiration trachéale, LBA)

OU

Test virologique par prélèvement naso-pharyngé **négatif** mais test sur prélèvement profond (expectoration/crachat induit, aspiration trachéale, LBA) **positif**

Merci d'adresser ce questionnaire au point focal de l'Agence Régionale de Santé de résidence du patient

Les données collectées dans le cadre de la surveillance et des investigations des cas d'infection par le variant 20C/H655Y seront conservées par Santé publique France pendant une durée n'excédant pas un an. Pour en savoir plus sur ce traitement et l'exercice des droits des personnes : dpo@santepubliquefrance.fr ou Santé publique France, délégué à la protection des données, 12 rue du Val d'osne, 94415 Saint Maurice Cedex.

Questionnaire d'investigation des cas évocateurs d'infection au variant 20C/H655Y

Date du signalement ___/___/_____

Nom de la personne effectuant le signalement :

Organisme :

Dépt. : |__| |__| Téléphone : Email :

1 - Identité du patient

Nom : Prénom :

Sexe M F Date de naissance : ___/___/_____ ou âge : |__| |__| (années) ou |__| |__| (mois)

Commune de résidence : Code Postal : /_____/

Tel domicile : Tel portable :

Patient Personnel de santé, *préciser* : établissement : service :

2 - Informations épidémiologiques

Séjour dans la zone géographique concernée par l'émergence du variant 20C/H655Y

Préciser commune :

Date du séjour : ___/___/_____ au ___/___/_____

Lien avec un épisode de cas groupés incluant au-moins un cas confirmé 20C/H655Y

Préciser:

.....

.....

Contact à risque avec un cas confirmé d'infection par le variant 20C/H655Y

Préciser nom du cas et circonstances :

.....

.....

3 - Caractéristiques cliniques

Signes cliniques Oui Non

Date de début des signes cliniques : ___/___/_____

Fièvre, *précisez* :°C

Sensation de fièvre

Asthénie / fatigue / malaise

Toux

Myalgies / courbatures

Dyspnée

Céphalées

SDRA

Auscultation pulmonaire anormale

Diarrhée

Anosmie

Agueusie

Autre signe clinique, *préciser* :

Hospitalisation Oui Non du au Hôpital Service

du au Hôpital Service

Examens radiologiques

Scanner thoracique réalisé Oui Non Date du scanner : ___/___/_____
Présence de signes scannographiques évocateurs de COVID-19 Oui Non

4 - Evolution clinique

Décès Oui Non Date du décès : ___/___/_____

5 - Facteurs de risque COVID-19

Facteurs de risque d'infection sévère à SARS-CoV-2 Oui Non Si oui, *préciser* :
 Hypertension Antécédents cardiovasculaires
 Diabète Pathologie chronique respiratoire
 Insuffisance rénale Cancer évolutif sous traitement
 Obésité Autre, *préciser* :

6 - Antécédents COVID-19

Cas déclarant un précédent épisode d'infection à SARS-CoV-2 Oui Non
Si oui, *préciser* :
Date de début des signes ou de confirmation biologique pour le précédent épisode : ___/___/_____
Infection confirmée par RT-PCR Oui Non

7- Antécédents de vaccination

Vaccination contre le SARS-CoV-2 Oui Non
Date dose 1: ___/___/_____ Date dose 2 : ___/___/_____
Vaccin : Pfizer/BioNTech Moderna AstraZeneca

8- Diagnostic

Préciser tous les prélèvements réalisés, les dates de prélèvements et les résultats

Prélèvements nasopharyngés

PCR 1 Date : ___/___/_____ Positif Négatif
 PCR 2 Date : ___/___/_____ Positif Négatif
 PCR 3 Date : ___/___/_____ Positif Négatif
 PCR 4 Date : ___/___/_____ Positif Négatif

RT-PCR de criblage : Oui Non

Résultats de la RT-PCR de criblage : 20I/501Y.V1 20H/501Y.V2 ou 20J/501Y.V3 Négatif

Prélèvements profonds (expectoration/crachat induit, aspiration trachéale, LBA)

PCR 1 Date : ___/___/_____ Positif Négatif Type de prélèvements : _____
 PCR 2 Date : ___/___/_____ Positif Négatif Type de prélèvements : _____
 PCR 3 Date : ___/___/_____ Positif Négatif Type de prélèvements : _____

Prélèvements salivaires

PCR 1 Date : ___/___/_____ Positif Négatif

PCR 2 Date : ___/___/_____ Positif Négatif
 PCR 3 Date : ___/___/_____ Positif Négatif

Prélèvements de selles ou écouvillon rectal

PCR 1 Date : ___/___/_____ Positif Négatif
 PCR 2 Date : ___/___/_____ Positif Négatif
 PCR 3 Date : ___/___/_____ Positif Négatif

Sérologies

Date : ___/___/_____ Résultat : IgM : _____ IgG : _____
 Date : ___/___/_____ Résultat : IgM : _____ IgG : _____
 Date : ___/___/_____ Résultat : IgM : _____ IgG : _____

Test(s) sérologique(s) utilisés et interprétation des résultats sérologiques par le laboratoire :

Prélèvements envoyés au CNR : Oui Non

Si oui, préciser lesquels

- Prélèvements nasopharyngés Date du prélèvement : ___/___/_____
- Prélèvements profonds Date du prélèvement : ___/___/_____
- Prélèvements salivaires Date du prélèvement : ___/___/_____
- Prélèvements de selles Date du prélèvement : ___/___/_____
- Prélèvements sanguins Date du prélèvement : ___/___/_____

Résultat du CNR

- Variant 20C/H655Y
- Clade 20C / Mutations spécifiques 20C/H655Y
- Clade 20C / Variant non déterminé
- Clade 20A
- Variant 20I/501Y.V1
- Variant 20H/501Y.V2
- Variant 20J/501Y.V3
- Autre variant, préciser :

Les données collectées dans le cadre de la surveillance et des investigations des cas d'infection par le variant 20C/H655Y seront conservées par Santé publique France pendant une durée n'excédant pas un an. Pour en savoir plus sur ce traitement et l'exercice des droits des personnes : dpo@santepubliquefrance.fr ou Santé publique France, délégué à la protection des données, 12 rue du Val d'osne, 94415 Saint Maurice Cedex.